

Unraveling the Biomarker Prospects of High-Altitude Diseases: Insights from Biomolecular Event Network Constructed using Text Mining

Supplementary_Data-4

Page Rank Information

ID	pageranks	degree	pr_indeg	pr_proxim	pr_rank	min-max-normalized
Binding	0.011117	19	0	0	0	0
VEGF	0.014827	5	5	0.060241	0.055587	0.833333
EGLN1	0.011825	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
Gene_expr	0.011117	45	0	0	0	0
K-ATPase	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
EPO	0.016325	6	6	0.072289	0.066704	1
ET-1	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
Negative_r	0.011117	25	0	0	0	0
eNOS	0.011993	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
Positive_re	0.011117	36	0	0	0	0
EPAS1	0.011877	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
HIF-1alpha	0.01264	3	3	0.036145	0.033352	0.5
ACE	0.011877	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
HIF-1	0.013585	4	4	0.048193	0.044469	0.666667
ET-1 mRNA	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
TNF-alpha	0.012535	3	3	0.036145	0.033352	0.5
HO-1	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
ACE I/D	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
ACTH	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
GSTP1	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
Regulation	0.011117	10	0	0	0	0
interleukin	0.012325	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
hsp70-hom	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
GPx1	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
HB	0.012465	4	4	0.048193	0.044469	0.666667
EPAS-G alle	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
KGF-2	0.011495	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
ACE D allel	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
REN	0.011877	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
GYPA	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
Localizatio	0.011117	9	0	0	0	0
GSTP1	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
interleukin	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HIF1alpha	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
interleukin	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HSP70	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
NOS III	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
CD3+	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5

HHE	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
hsp70-2 B/	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
MHC class I	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
Sca-1 (+) c	0.012377	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
IL-1 and INI	0.012535	3	3	0.036145	0.033352	0.5
NGB	0.012167	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HIF-2alpha	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
MPO	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
TNF	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
IL-6 mRNA	0.012535	3	3	0.036145	0.033352	0.5
IL-6	0.012535	3	3	0.036145	0.033352	0.5
IL-8	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
Protein_cat	0.011117	4	0	0	0	0
PHDs	0.01348	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
Hif-1alpha	0.012167	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
CD71	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
RAAS	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
UBB	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
UCP4	0.01159	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
interleukin-	0.012377	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
Hsp90 and	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
ROS-AMPK	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
MDR	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
IL-2R	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
HIF	0.01348	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
NFE2L2	0.012167	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
CAS	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HAPO	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
TfR	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
CASP3	0.011705	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
peroxidase	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
HIF-1beta	0.012272	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
PU.1	0.012377	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
LTH fetus	0.01159	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
EGLN1	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
hsp70	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
TNF-alpha i	0.012535	3	3	0.036145	0.033352	0.5
peroxidase	0.011968	3	3	0.036145	0.033352	0.5
ARNT	0.012062	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
CD36	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
Hsp90 and	0.011495	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
RCE	0.011327	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
interleukin-	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HIF-1 alpha	0.01138	1	1	0.012048	0.011117	0.166667
HSP70	0.011825	2	2	0.024096	0.022235	0.333333
CYBA	0.011615	1	1	0.012048	0.011117	0.166667